

عنوان مقاله:

ارزیابی تنوع ژنتیکی بین و درون تیپ های مختلف توتون با استفاده از نشانگرهای IRAP و REMAP

محل انتشار:

پژوهشنامه اصلاح گیاهان زراعی، دوره 7، شماره 16 (سال: 1394)

تعداد صفحات اصل مقاله: 9

نویسندگان:

سیده فاطمه حسنی تسبیح - دانشگاه گیلان،

حبیب الله سمیع زاده لاهیجی - دانشگاه گیلان،

مرداویج شعاعی دیلمی - مرکز تحقیقات توتون گیلان

خلاصه مقاله:

در این مطالعه به منظور بررسی تنوع ژنتیکی ۴۵ ژنوتیپ از ژرمپلاسم تیپ های مختلف توتون شامل گرمخانه ای، بارلی و شرقی، از ۲۰ ترکیب آغازگری IRAP و REMAP استفاده شد که از بین این آغازگرها، ۵ آغازگر IRAP و ۹ آغازگر REMAP قادر به تولید الگوی نواری، با وضوح و چندشکلی بالا بودند و در مجموع ۱۸۸ مکان را تکثیر کردند که از این تعداد ۱۵۳ مکان، چندشکل بودند. آغازگر RTR-۱۰ با ۲۲ نوار و RTR-۱ با ۱۶ نوار، بیشترین و آغازگر UBC۸۱۷+RTR۱ با ۴ نوار، کمترین تعداد مکان های چند شکل را تکثیر کردند. میزان اطلاعات چندشکل نشانگرها بین ۱۶/۰ تا ۳۳/۰ و شاخص نشانگر از ۳۴/۰ تا ۲۵/۶ در کل ژنوتیپ های مورد مطالعه متغیر بود. تجزیه خوشه ای به روش ۴۵، UPGMA، ژنوتیپ مورد مطالعه را در پنج گروه قرار داد، که گروه اول شامل تیپ بارلی، گروه دوم شامل تیپ گرمخانه ای و گروه های ۳، ۴ و ۵ شامل ژنوتیپ های شرقی شدند. صحت گروه بندی حاصل از تجزیه خوشه ای توسط تابع تشخیص کانونی به روش خطی فیشر ۳/۷۳ درصد تایید شد.

کلمات کلیدی:

Retrotransposon, Simple Matching Coefficient, Polymorphism Information Content, رتروترانسپوزون، ضریب تشابه انطباق ساده، میزان اطلاعات چندشکل

لینک ثابت مقاله در پایگاه سیویلیکا:

<https://civilica.com/doc/1284919>

