

عنوان مقاله:

بهینه سازی محصول PCR توالی پروموتور غنی از G+C ژن انسانی ۱- Astrocyte elevated gene

محل انتشار:

مجله دانشگاه علوم پزشکی خراسان شمالی، دوره 5، شماره 4 (سال: 1392)

تعداد صفحات اصل مقاله: 7

نویسندگان:

نادر منصور سمائی - دانشگاه علوم پزشکی گلستان، گرگان، ایران.

ملیحه نادری - دانشگاه آزاد اسلامی واحد قم، ۳۶۴-۳۷۱۸۵، ایران.

حمیده خواجه - مرکز تحقیقات بیوتکنولوژی، دانشگاه زابل، زابل، ایران.

نگار مرادی پور - دانشگاه زابل، ایران، زابل، ایران.

نغمه قلی پور -، پژوهشگاه ملی مهندسی ژنتیک و زیست فن آوری، مرکز ژنتیک مولکولی، تهران، ایران.

پرستو ضرغامی مقدم - دانشگاه علوم پزشکی خراسان شمالی، بجنورد، ایران.

خلاصه مقاله:

چکیده زمینه و هدف: اکثر ژن های خانه دار، سرکوبگر تومور، و تقریباً ۴۰٪ ژن های اختصاصی بافت ها حاوی توالی غنی از G+C در نواحی پروموتوری خود می باشند که تکثیر آن با مشکلات زیادی همراه است. ژن Astrocyte elevated gene ۱ (AEG-۱) دارای نقش عملکردی در چندین مرحله از پیشرفت تومور از جمله، ترانسفورماسیون، آپوپتوزیس، متاستاز، مقاومت به شیمی درمانی، رگزایی و پیری سلول می باشد. مواد و روش کار: این مطالعه، به بهینه سازی واکنش زنجیره ای پلیمر (PCR) برای تکثیر موفق ۴۹۵ bp از پروموتور ژن AEG-۱، دارای محتوی < ۷۰٪ G+C و جایگاه اتصال چندین فاکتور رونویسی در بیماران مبتلا به هپاتوسلولار کارسینوما پرداخته است. یافته ها: یافته ها نشان می دهد استفاده از CO-Amplification، DMSO به همراه برنامه Touch down PCR و آنزیم pfu در تخریب ساختارهای ثانویه توالی های DNA و افزایش محصول واکنش موثر می باشد. نتیجه گیری: این روش می تواند برای تکثیر دیگر نواحی غنی از G+C نیز مورد استفاده قرار گیرد

کلمات کلیدی:

۱- Astrocyte elevated gene، promoter region، PCR، GC-rich sequences، Key words:، واژه های کلیدی:

توالی غنی از G+C- نواحی پروموتوری- PCR- ژن ۱- Astrocyte elevated gene

لینک ثابت مقاله در پایگاه سیویلیکا:

<https://civilica.com/doc/1889844>

